



Type de tumeur	Test
<b>POUMON</b>	<input type="checkbox"/> analyse étendue des mutations et fusions pour une thérapie ciblée par ARN NGS-Seq (Archer CTL)*,d <input type="checkbox"/> recherches ciblées sur : <input type="checkbox"/> <i>ALK</i> <sup>a</sup> ALK IHC résultat : <input type="checkbox"/> pos <input type="checkbox"/> nég <input type="checkbox"/> inconnu <input type="checkbox"/> <i>EGFR</i> hotspots incl. p.T790M (envoyer la demande et l'échantillon de sang ou de plasma au CME, UZL) <sup>d</sup> Si contexte de résistance, mutation initiale: ..... <input type="checkbox"/> PD-L1 IHC <sup>a</sup> Spécifiez l'anticorps : ..... <input type="checkbox"/> autres : .....
<b>OVAIRE</b>	<input type="checkbox"/> <i>HRD en ce inclut BRCA1/2</i> (Envoyer en parallèle l'échantillon de sang au CME UZL pour contrôle avec le formulaire de demande 3028) <input type="checkbox"/> autres : .....
<b>PROSTATE</b>	<input type="checkbox"/> <i>BRCA1/2</i> (somatique) via NGS*,d (Envoyer en parallèle l'échantillon de sang au CME UZL pour contrôle avec le formulaire de demande 3028) <input type="checkbox"/> autres : .....
<b>SYSTEME NERVEUX CENTRAL</b>	<input type="checkbox"/> recherches ciblées sur: <input type="checkbox"/> 1p/19q co-deletie <input type="checkbox"/> Hyperméthylation <i>MGMT</i> <sup>d</sup> <input type="checkbox"/> analyse étendue des mutations par ADN NGS * ( <i>IDH1/2, H3,...</i> ) <sup>d</sup> <input type="checkbox"/> profilage de méthylation à l'échelle du génome + analyse des déséquilibres du génome entier <sup>d</sup> <input type="checkbox"/> autres : .....
<b>SEIN</b>	<input type="checkbox"/> MammaPrint BluePrint NGS RNA-Seq (test de profilage d'expression génique) <sup>c,d</sup> <input type="checkbox"/> analyse étendue des mutations par ADN NGS * ( <i>PIK3CA, ESR1, HER2,...</i> ) <sup>d</sup> <input type="checkbox"/> des recherches ciblées sur : <input type="checkbox"/> Amplification <i>HER2</i> HER2 IHC <sup>a</sup> score: <input type="checkbox"/> 0/1+ <input type="checkbox"/> 2+ <input type="checkbox"/> 3+ <input type="checkbox"/> inconnu <input type="checkbox"/> <i>PIK3CA</i> mutation hot-spot (envoyer la demande et l'échantillon de sang ou de plasma au CME, UZL) <sup>d</sup> <input type="checkbox"/> <i>ESR1</i> mutation hot-spot (envoyer la demande et l'échantillon de sang ou de plasma au CME, UZL) <sup>d</sup> <input type="checkbox"/> autres : .....
<b>ESTOMAC</b>	<input type="checkbox"/> Amplification <i>HER2</i> <sup>b</sup> HER2 IHC <sup>a</sup> score: <input type="checkbox"/> 0/1+ <input type="checkbox"/> 2+ <input type="checkbox"/> 3+ <input type="checkbox"/> inconnu <input type="checkbox"/> autres : .....
<b>TISSUS MOUS/ OS</b>	<input type="checkbox"/> recherches ciblées d'anomalies spécifiques (FISH <i>MDM2, EWSR1,.....</i> ) <input type="checkbox"/> analyse étendue des fusions par ARN NGS-Seq (Archer Sarcoma) <sup>d</sup> <input type="checkbox"/> profilage de méthylation à l'échelle du génome + analyse des déséquilibres du génome entier <sup>d</sup> <input type="checkbox"/> autres : .....
<b>REIN</b>	<input type="checkbox"/> <i>TFE3 fusion</i> <input type="checkbox"/> <i>TFEB fusion/amplification</i> <input type="checkbox"/> LPS (Low Pass Sequencing pour les déséquilibres du génome entier) <sup>d</sup> <input type="checkbox"/> autres : .....
<b>GLANDE SALIVAIRE</b>	<input type="checkbox"/> analyse étendue des mutations et fusions par ARN NGS-Seq (Archer) <sup>*,d</sup> <input type="checkbox"/> autres: .....
<b>FAMILIAL</b>	Dépistage d'un cancer familial (panel germlinal) sur tissu tumoral (Si le patient est toujours en vie, envoyer l'échantillon de sang pour le dépistage à CME, UZL avec le formulaire de demande 3028.) <input type="checkbox"/> Contexte des tests : .....
<b>GENERAL</b>	<input type="checkbox"/> NGS ADN panel (96 gènes de cancer capturés, voir guide de laboratoire) <sup>d</sup> <input type="checkbox"/> Discuté lors de la consultation multidisciplinaire* <input type="checkbox"/> Colorectal ( <i>BRAF, KRAS, NRAS, ...</i> ) <input type="checkbox"/> Mélanome ( <i>BRAF, KIT, NRAS, ...</i> ) <input type="checkbox"/> Endomètre ( <i>POLE, TP53, ...</i> ) <input type="checkbox"/> Pancréas ( <i>KRAS, BRCA1/2, ...</i> ) <input type="checkbox"/> Carcinome neuroendocrine à grandes cellules ( <i>RB1, TP53, ...</i> ) <input type="checkbox"/> Autres : ..... <input type="checkbox"/> MSI PCR (Envoyer en parallèle l'échantillon de sang au CME UZL pour contrôle avec le formulaire de demande 3028) MSI résultat IHC : ..... <input type="checkbox"/> PD-L1 IHC <sup>a</sup> Spécifiez l'anticorps : ..... <input type="checkbox"/> Pan-TRK IHC <sup>a</sup> (Si positif une confirmation via NGS ARN seq (Archer) sera effectuée.) <input type="checkbox"/> autres : .....

\* Comme requis dans le cadre de l'étude pilote NGS

<sup>a</sup> Test pharmaco-diagnostique.

<sup>b</sup> Externalisé à ZOL Genk.

<sup>c</sup> Uniquement avec accord du patient lorsque les critères pour le remboursement ne sont pas respectés.  
(<https://www.riziv.fgov.be/nl/professionals/verzorgingsinstellingen/laboratoria/Paginas/terugbetaling-gep-vroegstadium-borstkanker.aspx>)

<sup>d</sup> pour le guide de laboratoire voir : <https://laboboeken.nexuzhealth.com/pboek/Intralab/GHB%20CME>  
Termes de recherche : Archer, SeqCap, Méthylation, Plasma, MammaPrint